# weektaak 2 blok 2

## opdracht 2

**Kies een van de kandidaatgenen die volgens OMIM de ziekte, die je op basis van de syptomen hebt gediagnosticeerd, kan veroorzaken.**  
SNRNP200  
<http://omim.org/entry/601664>

**Zoek van dit gen de Refseq mRNA sequentie (inclusief accessiecode)**<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/XM_017003603.1>

**Ontwerp een forward en reverse primer die geschikt zijn om de coderende sequentie (CDS) te amplificeren. Dit betekent dat de forward primer in de 5’UTR (untranslated region) zit en de reverse primer in de 3’UTR. De optimale lengte in 20 nt met een Tm tussen de 55-62 graden**

*Reverse(forward??) primer*  
 gtcctgaggcatttactttt  
5’ caggactccgtaaatgaaaa 3’ temp 56 lengte 20  
  
of  
 tcctgaggcatttacttttg   
5’ aggactccgtaaatgaaaac 3’ temp 56 lengte 20  


*Forward(reverse??) primer*

3’ cttctacagaaacagagtgg 5’ temp 58 lengte 20  
